

的特色醫學大學。這次的展出是一個嶄新的開始，期待2023年【創辦日】的到來，中山醫大將繼續懷抱緬懷的心與大夥共譜感恩、傳承及永續發展的新樂章。

[TOP](#)

Subject 考試院黃榮村院長率團蒞臨中山醫學大學交流座談

秘書室

隨著數位科技的進步與成熟，「數位轉型」已是各行各業的共識與創新發展的動能。考選部近年來積極拓展國家考試電腦化試場，透過加強與學校合作，預定112年將電腦化測驗試場容量擴充至一萬席，並再新增電腦化考試類科，為國家社會舉才。

中山醫學大學位處大台中的中心，亦是高鐵、捷運、台鐵共構的樞紐，校區周邊尚有12線公車網絡，交通便捷中部第一。近年，陸續完成「正心樓」-教學大學，其中第六樓層建置有完善的電腦教室7間，共411席；「誠愛樓」停車場暨綜合大樓，除提供充足的停車空間與高品質的餐飲服務，並在第十樓建置符合國家考試規格、全國最優的「醫學模擬教學暨臨床技能訓練中心」，綜上所述，中山醫學大學完全符合考選部積極拓展電腦考場的多元條件。故此，考試院特別於2022年11月15日，由黃榮村院長率領考試委員：吳新興委員、王秀紅委員、姚立德委員，考選部：許舒翔部長、黃慶章司長、楊淑如科長等人，蒞臨中山醫學大學評估設置國家考試電腦化考場的可行性，同時也就國家醫事類專技考試制度進行意見交流與釋疑。

黃榮村院長半年內二度造訪中山醫學大學，對近年的校園發展與改變印象深刻，十分肯定中山醫學大學對於教育的用心經營，以及對國家考試相關政策與執行上的配合；許舒翔部長也對本校畢業生在各項國家考試的優異表現讚譽有加。資管處楊淑如科長在簡報中，除詳細介紹國家電腦試場的建置標準，以及試務人員的培訓工作之外，從檢視本校的簡報資料中也肯定表示，本校現有資訊電腦設備，只需微調即可投入國家電腦試場的建置。

經中山醫學大學黃建寧校長及學校一級主管陪同考試院蒞校貴賓，實地走訪電腦教室及「醫學模擬教學暨臨床技能訓練中心」，也得到黃院長及蒞校訪視貴賓的一致性讚許，並期盼本校能盡快加入國家電腦考場的建置行列，中山醫學大學本於利人利己為國舉才善舉，必定遵照電腦考場設置相關標準，積極調整電腦教室設備，持續強化資安能力，為公職及專技國家考試貢獻綿薄之力，整場交流座談活動在意見交流實質有效，及歡樂愉悅的氣氛下完美畫下句點。

[TOP](#)

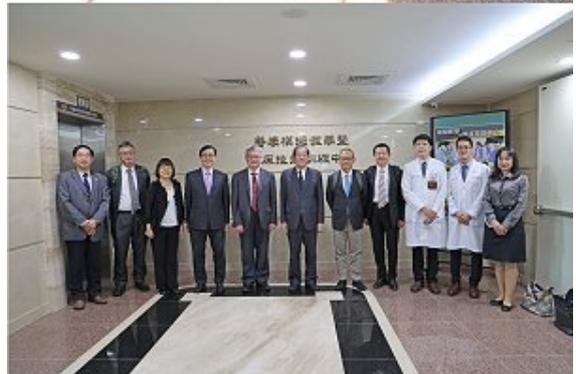
Subject 中山醫大廖勇柏教授 研究團隊參與國際中風基因研究 重大突破登上《Nature》期刊

秘書室 / 國際處

中山醫學大學教授廖勇柏所率領的研究團隊，獲科技部（國科會）空間資訊學門長期的補助，積極參與國際合作，在世界頂尖的科學期刊《Nature》發表重大發現。這個研究共發現了61個新的中風基因位點，這些位點的發現將對人類對中風的發生預防與治療產生關鍵的貢獻。

這項研究為中風及其亞型發病機制的生物學研究提出重要的見解，而且也為中風遺傳風險提供預測的工具，是第一次在非歐洲血統人群中得到增強和驗證，為精準預防和精準藥物開發提供重要信息。

廖勇柏研究團隊利用台灣人體生物資料庫的基因資料與健保資料庫的串檔大數據，參與了史上最大型的中風研究。此研究共超過250萬參與者的DNA資料，其中20萬人患有中風。參與者來自歐洲、東亞、非洲、南亞和拉丁美洲血統。



這些資料來自世界各國的醫院和社區的世代研究或生物資料庫，以及五個臨床試驗資料庫。

這個研究是由GIGASTROKE聯盟的成員進行，涉及多個國際聯盟以及來自20多個國家的研究人員。主要是由法國波爾多大學和德國慕尼黑大學的兩個研究中心，與日本東京大學、美國哈佛醫學院等研究單位所主導。計畫總主持人波爾多大學流行病學和神經學教授Stephanie Debette說：「具有不同血統背景的研究參與者的貢獻至關重要，它提高了我們找到新遺傳關聯的能力，增進了我們對生物學基礎的理解。」

廖勇柏表示，這項研究先對160萬人進行了基因研究，其中110182人患有中風，並找到了與中風相關的基因組有89個區域，其中61個是全新發現的中風相關基因。

另外在110萬人中驗證了這些基因組區域，這些人主要來自大型生物資料庫，其中89,084人患有中風，為第一次分析中確定的絕大多數關聯提供了額外的證據。驗證所使用的資料大多來自生物資料庫，因此很難從生物資料庫進一步驗證中風的亞型（如缺血性中風）模式。

廖勇柏表示，這項研究當中有中風的患者，東亞人僅佔全部中風者的10%，由於自己的女兒也在東京大學參與相關研究，而中山醫大團隊也長年有在進行國內的中風基因生物資料研究分析，台灣的人體生物資料庫，也已有二十萬人的基本人口學特徵、生活習慣與基因資料。若能再比對健保資料庫，將可作為驗證61項新基因在東亞族群的關鍵數據。中山醫大團隊，也利用東京大學Yoichiro Kamatani研究團隊利用GIGASTROKE東亞iPGS模式訓練出來的AI，運用於國內資料庫，比對中風基因。

在本研究的重要驗證階段，東亞人只約佔中風者的10%。東京大學Yoichiro Kamatani研究團隊利用GIGASTROKE東亞iPGS模式在日本生物資料庫進行訓練，再由中山醫學大學廖勇柏教授團隊進行驗證。台灣因為有健保資料庫，可以透過串檔，進一步確認台灣人體生物資料庫中缺血性中風者的資訊。因此，台灣的研究結果在東亞族群及中風的亞型資訊上做了非常大的貢獻。

廖勇柏表示，這研究是精準公共衛生學應用很好的典範，有助於精準醫療、藥物研發、藥物副作用與病因學探討，落實個人化精準治療與精準預防醫學。這是利用中研院台灣人體生物資料庫與健保署的健保資料庫大數據，透過衛福部資料科學中心提供串接整合平台的研究成果。

台灣人體生物資料庫目前收集近20萬人的基本人口學特徵、生活習慣與基因資料，健保資料庫有國人完整的就醫記錄，對疾病及其亞型有明確的診斷依據。兩個大型資料庫的串檔整合，有助於本土國人疾病的精準預防與治療。

很多疾病都同時與基因和環境息息相關，稀有病或稀有致病基因位點都需要更大的樣本資料才能確定因果關係的存在。因此，台灣人體生物資料庫如果目標能夠繼續收集至50萬甚至100萬人的本土資料，再與健保資料庫進行串檔深入研究，將對全世界精準醫療與精準公共衛生做出非常重大的貢獻。

[TOP](#)



國際交流

Subject 醫影系學海計畫暨校友回娘家-新加坡就業心得分享

莊濬超老師

醫學影像暨放射科學系自2007年起與新加坡中央醫院建立長期合作關係，每年選送六位實習醫事放射師到該院進行臨床實習課程，成果卓越，目前為止已累計超過七十人次到新加坡從事臨床工作。10/19日由醫影系第三屆畢業生蔡富捷校友（109學年度中山醫大傑出校友）返台分享新加坡工作經驗與生活點滴，莊濬超老師也針對111學年度新南向學海築夢計畫進行說明，並強調甄選海外實習生之規則與細節，期盼能讓大三及大二有興趣往海外發展的同儕建立基本準備方向，同時也參考蔡學長考量生涯發展規劃，希望能有更多學子走出舒適圈，邁向國際化發展，開創精彩人生。



[TOP](#)